

植物標本DNA抽取、保存與應用分析



胡哲明

國立臺灣大學生態學與演化生物學研究所

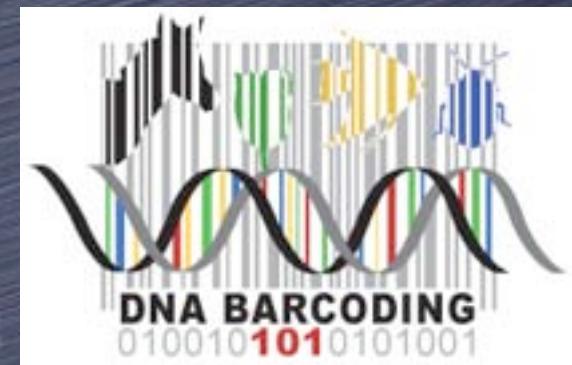


台灣大學 生態學與演化生物學研究所
Institute of Ecology and Evolutionary Biology
National Taiwan University

植物標本館與當今研究領域之結合

- 實體標本的蒐藏保存
- 物種條碼(bar coding)的建置與問題
- 系統分類、分子譜系分析等研究，對植物標本館運作的挑戰
 - 對原有標本藏品的破壞
 - 針對DNA材料的額外準備
 - 抽取後DNA的保存
 - DNA抽取技術層面的問題

<http://www.dnabarcoding101.org>



利用DNA 序列做譜系分析的優點

優點

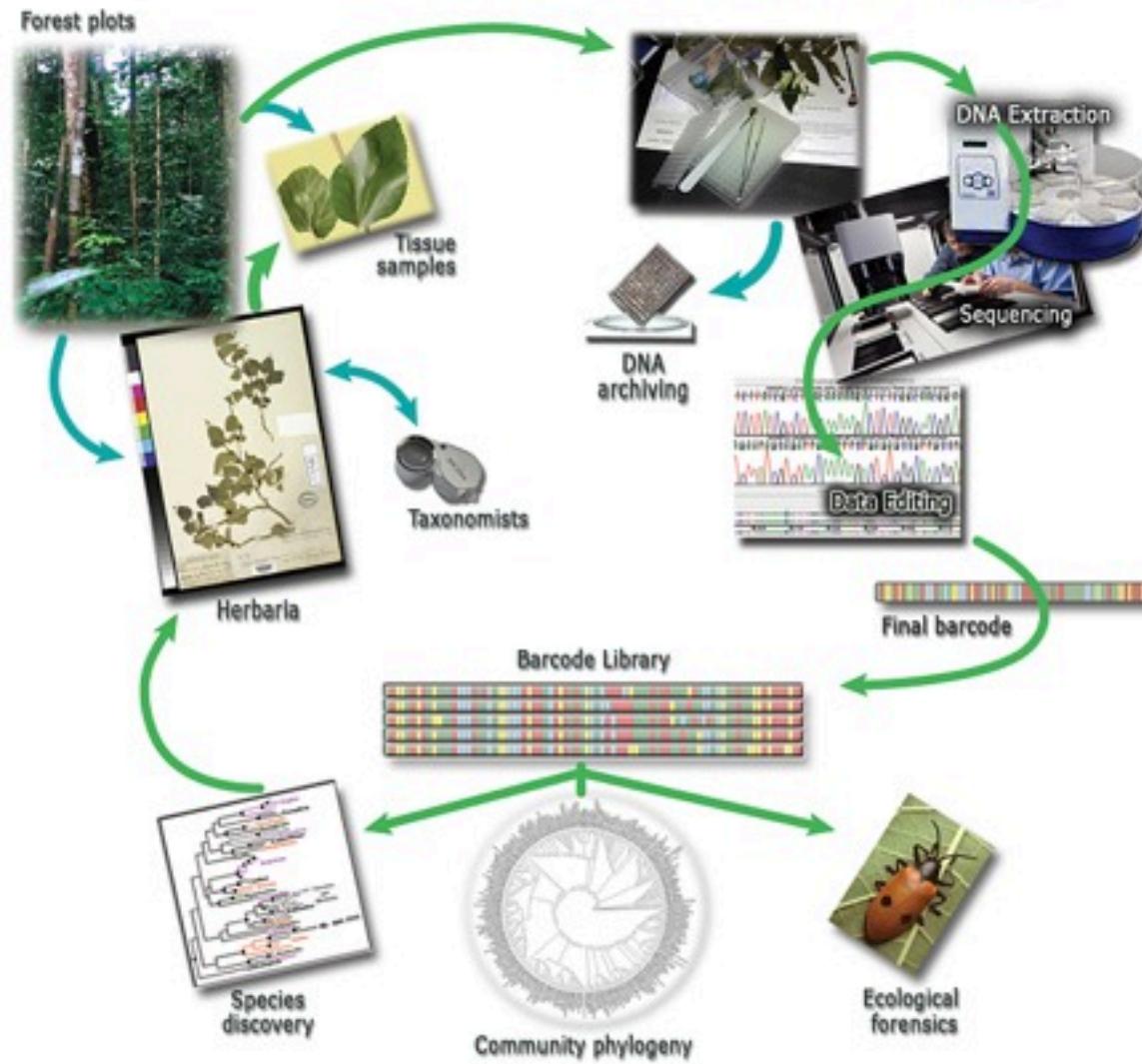
- 只需要極少量的DNA, 從標本, 甚至化石的DNA, 就可以做研究
- 很容易合併以前, 或他人的資料做分析
- 可以應用分子演化的模式進行更深入的分析
- 可以應用在所有的分類層級
- 在不同的基因組中都有研究

缺點

- 一般需要較長的片段才能得到足夠的有效特徵
- 某一些的DNA序列不見得能夠代表整個基因組的演化

Plant DNA Barcode Project

Plant DNA Barcode Cycle



DNA材料準備的基本模式



以報紙壓乾



烘箱42°C烤乾 → 自標本上採樣



DNA材料準備的基本模式



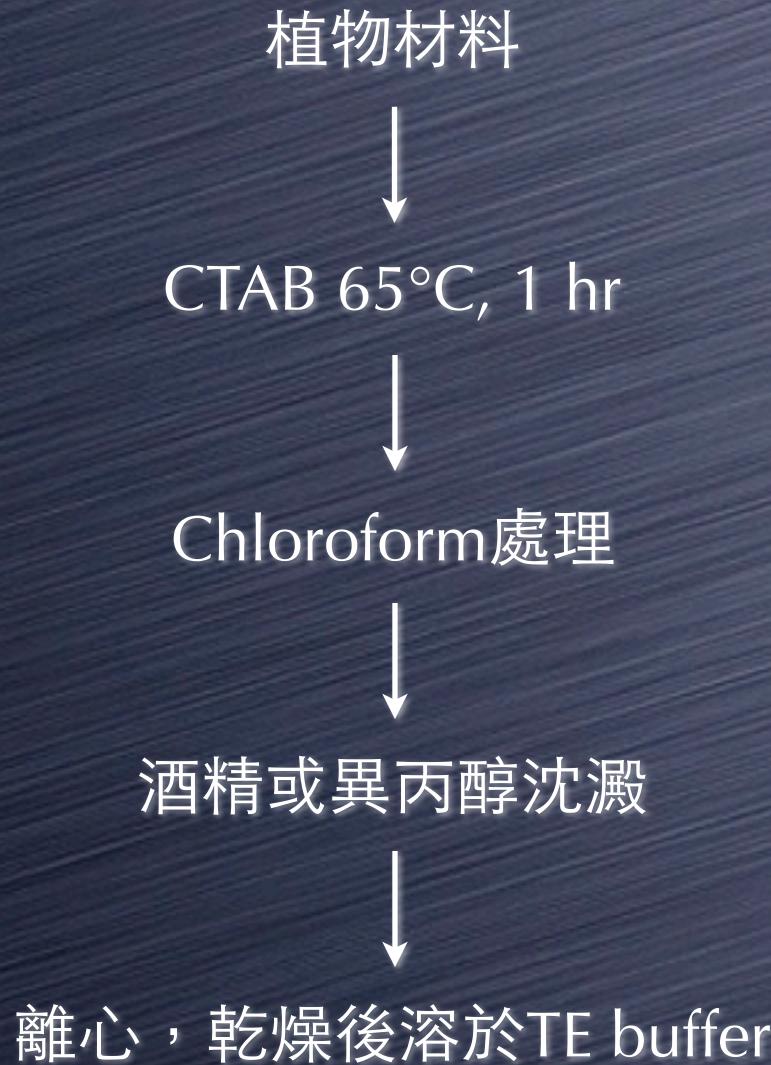
放入含硅膠的封口袋中



直接放入液態氮中



DNA的萃取

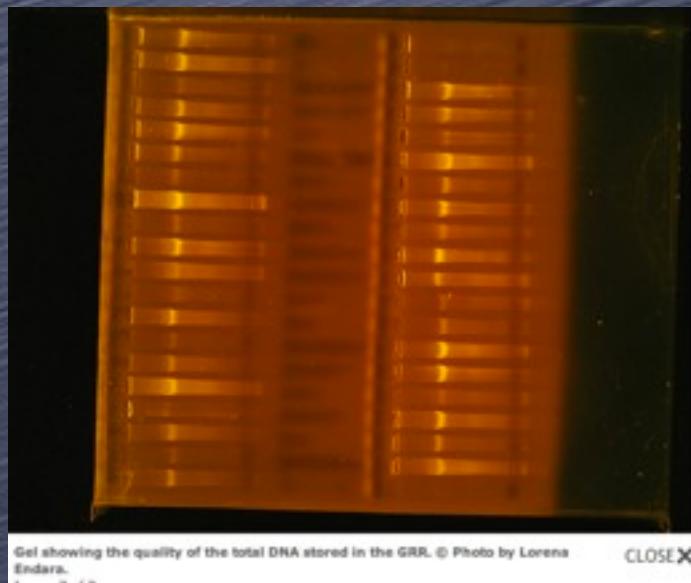
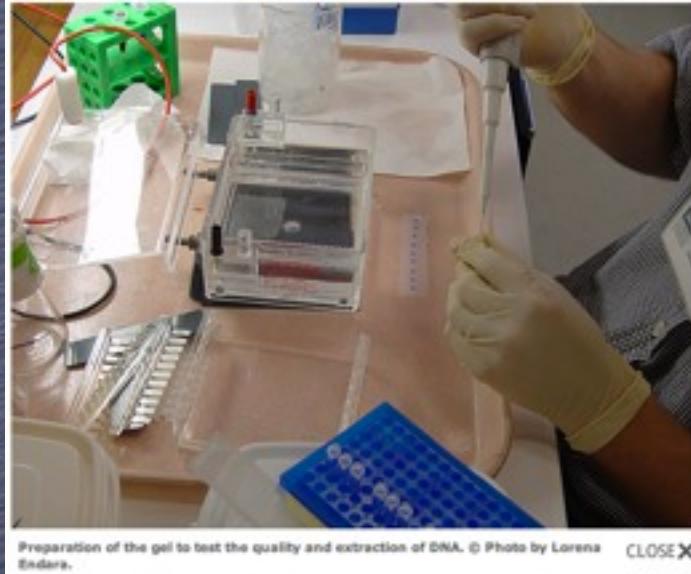
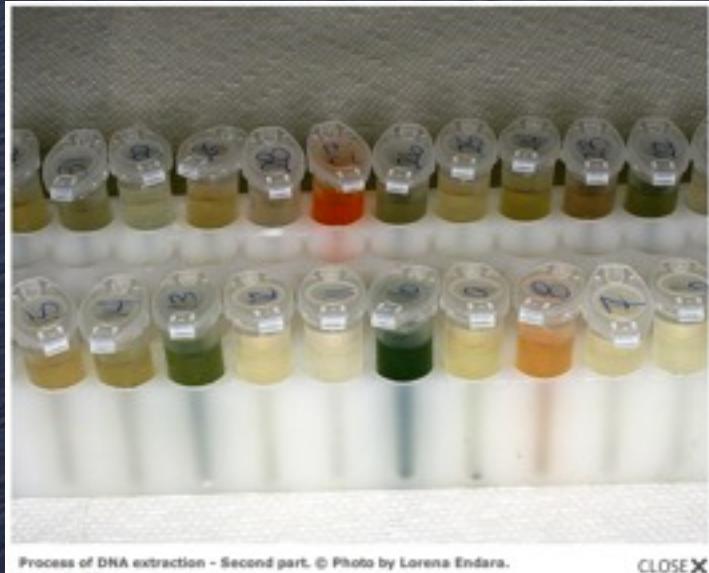




加入CTAB萃取液，置於65°C
水浴1hour後。
再加入Chloroform去除雜質和
可溶性有機物質



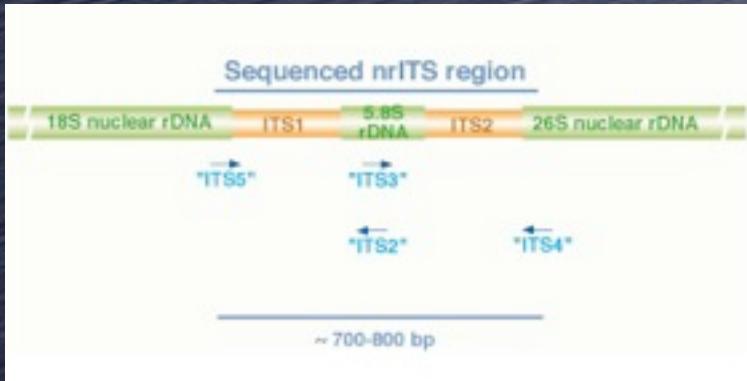
加入CI溶液離心後，移至新
離心管的澄清上清液。
以酒精沈澱DNA，再乾燥後
溶於TE buffer



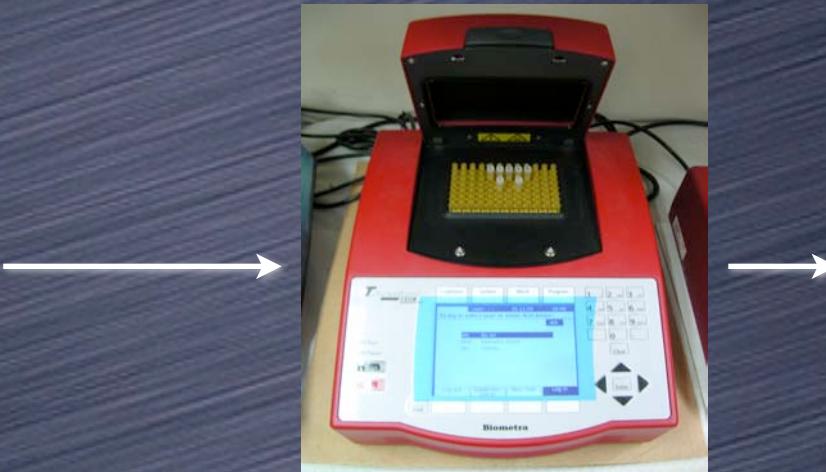
確認DNA萃取結果

DNA萃取法的修正

不純物	方法	效果
一般性	Change % of CTAB PEG Repeat chloroform wash Repeat precipitations Increase buffer:tissue	****
Polyphenolics	PVP-40	****
Mucilages	Separate organelles	**
Polysaccharides	Increase salts	***
Enzymatic activity	Columns EtOH precipitation	***



PCR



電泳



EtBr染色



照像

後續定序分析

DNA extraction

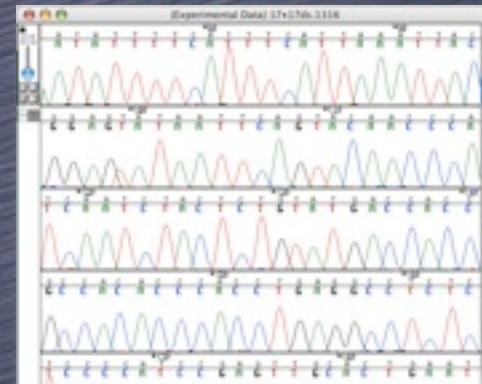


PCR amplification



Cloning

Sequencing



Phylogenetic analysis



Alignment

琥珀中的DNA之保存效能

將一洋菇切塊



FAA固定

置陰涼處

置陽光下

置水中

DNA 成份分析
PCR
DNA序列定序

利用包於琥珀中洋菇的實驗結果

	新鮮 (控制組)	FAA固定	置陰涼處	置太陽下	置水中
DNA成份 分析	+	+	+	+	+
PCR擴增 反應	+	-	+	+	+
DNA定序	+	-	-	+	-

Best

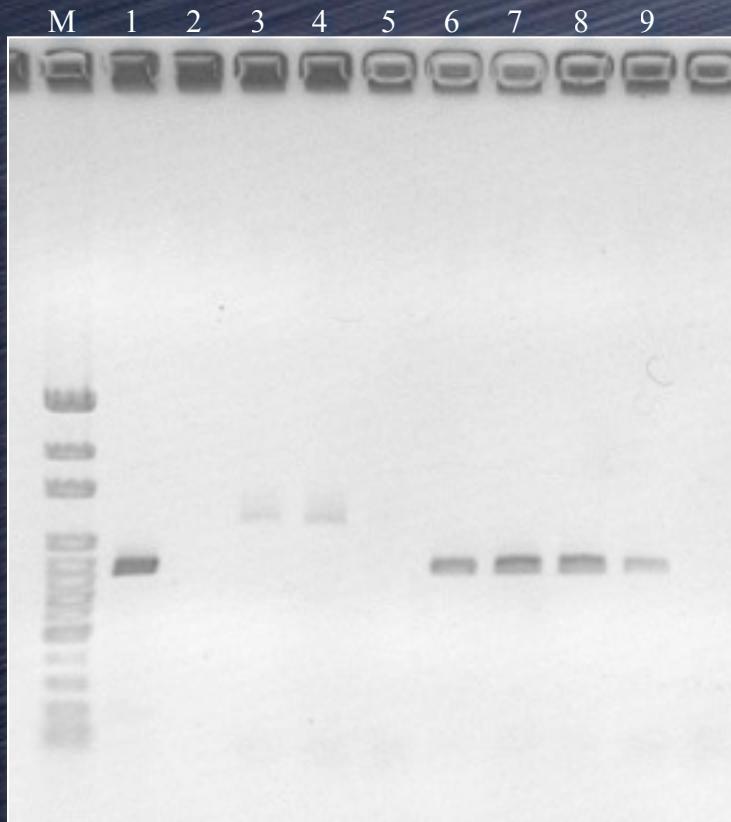
- 在DNA定序結果中，以在陽光下乾燥琥珀之洋菇，其序列最近似乎新鮮材料；其餘都有3-62%的序列變異產生

利用 genomic DNA 進行譜系分析的難題

- Adequate markers sometimes difficult to find
- Chloroplast markers are not always applicable, e.g. non-photosynthetic plants
- Nuclear markers are either too difficult to amplify, or often subjected to gene family problems
- Impurities in ordinary DNA extraction prep can block the following PCR
- Solution
 - cDNA?

genomic DNA purification 問題

PCR of nr18S rDNA



1: *Wisteria* DNA

2: 500ng

3: 180ng

4: 90ng

5: 20ng

6: 500ng

7: 180ng

8: 90ng

9: 20ng

10: H₂O

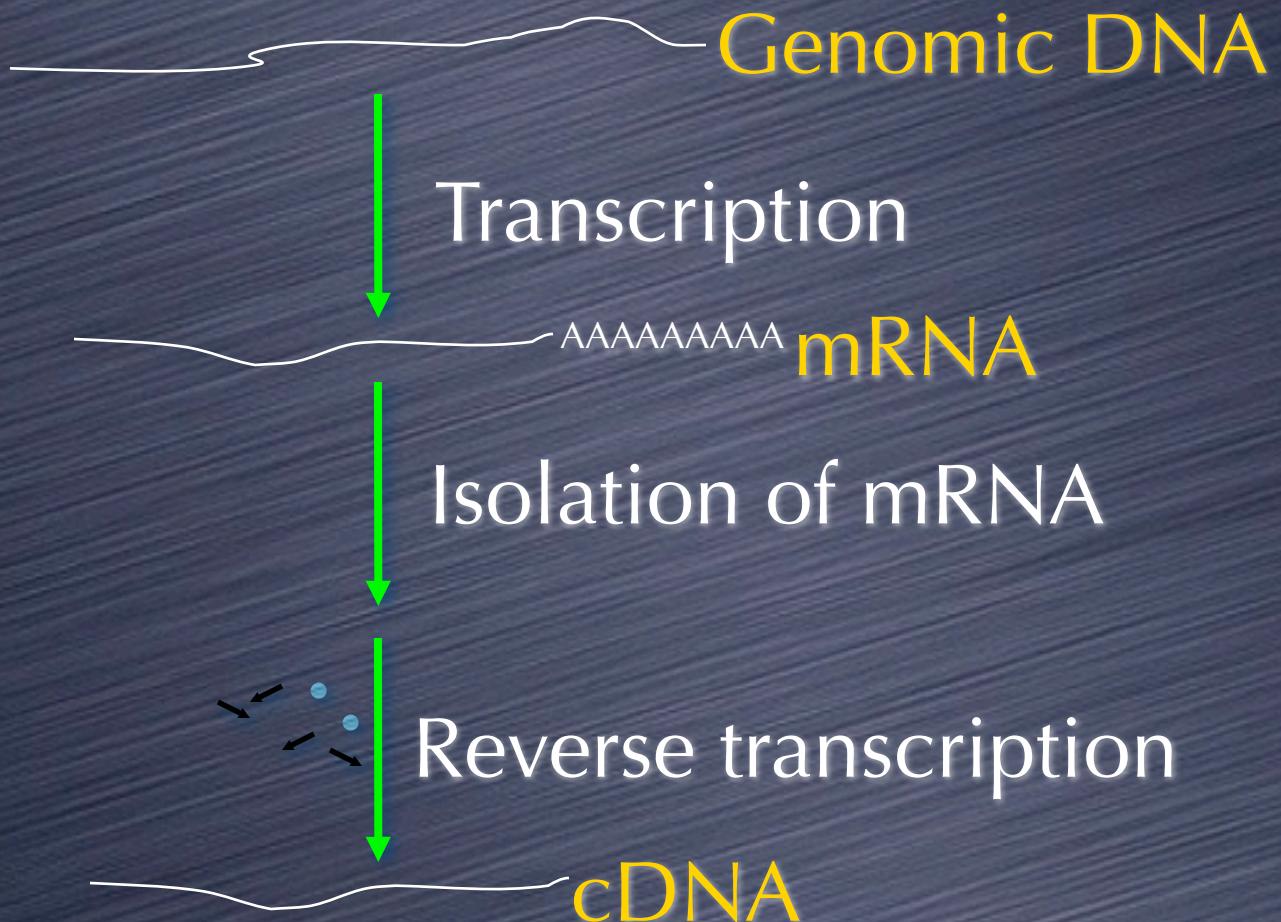
002: 穗花蛇菰

006: 水晶蘭



What can we do?

The making of cDNA



Example: MADS-box genes

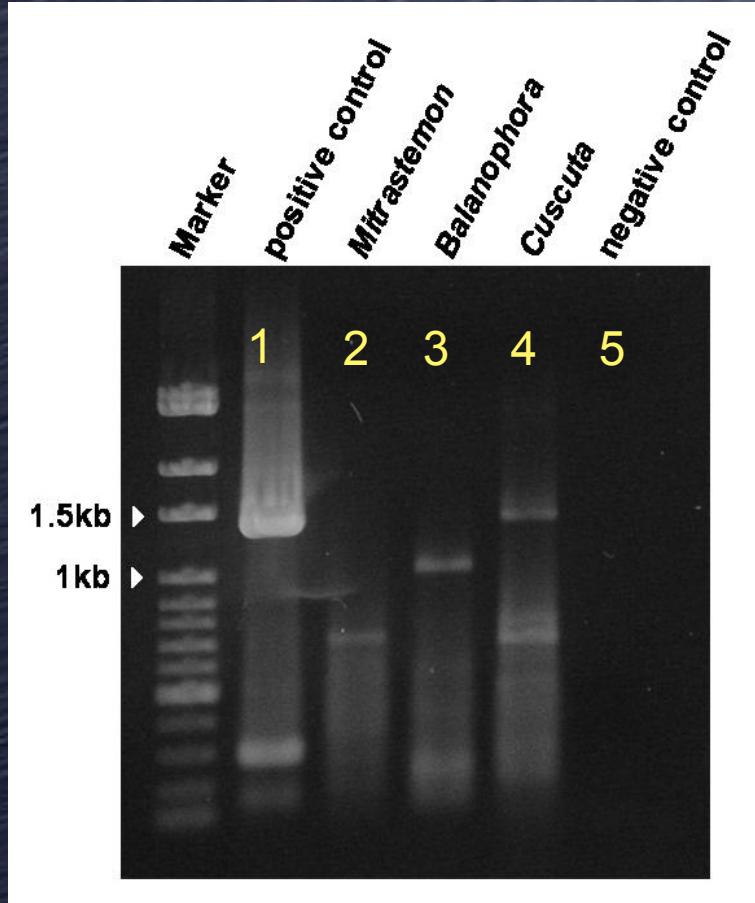


RNA isolation

- LiCl method
- LiCl-LiCl
- Pine Tree method (Chang et al. 1993)
- CTAB-LiCl
- TRIzol (Invitrogen)
- Acid Guanidinium Thiocyanate-Phenol-Chloroform
- Concert Plant RNA Reagent (Invitrogen)
- 100mg-5g tissues



RT-PCR of *rbcL*



Taxa

1: *Loranthus kaoi*

1: Pine Tree

2: *Mitrastemon kanehirai*

2: Pine Tree

3: *Balanophora laxiflora*

3: Pine Tree

4: *Cuscuta australis*

4: TRIzol

5: Negative control

RNA isolating method

Pros and cons using cDNA data

- Pros
 - Good for recalcitrant materials
 - Relatively short
 - Contain functional information
 - Analysis of deduced amino acid sequences
 - Codon usage
 - Expression assay
- Cons
 - Fresh materials
 - Known expressed in the sampled tissues
 - Experienced hands
 - RNA editing and phylogenetic analysis

植物標本館中的DNA長期保存

- 乾燥葉片標本的蔐藏保存
- Silica gel
- 種子庫
- DNA的保存



<http://botany.si.edu/projects/dnabarcode/cycle.htm>

DNA bank

- DNA抽取，資料蒐集與服務
- -80°C超低溫冰箱
- DNA資料庫
 - GenBank or others
 - DNA barcoding project



<http://herbarium.duke.edu/databases/fern-dna-database>

<http://www.nybg.org/science/dna-bank.php>

Regulation on obtaining materials from herbarium specimens

- 大多數標本館同意因研究目的自標本上採集小部份材料進行DNA萃取
- 有同意的標本館都有共通的準則



TAI植物標本館取樣原則

- 館藏同種類標本之份數量多者，同意取樣（量多之定義視不同種類及情況而定）
- 標本貯藏年份（珍藏年代久遠、屬珍稀者不同意取樣）
- 標本狀況：受蟲蝕情況（標本損壞嚴重、亟需加以維修保護者不同意取樣）
- 標本珍貴等級：若為模式、新紀錄種等特珍貴標本則不同意取樣
- 研究者背景：研究植物相關科學之博士班研究生以上，碩士班研究生需有指導教授簽章認可。

結論與建議

- 自標本館典藏標本採樣抽取DNA應為最後選項，乃不得已而為之的手段
- 標本館應另外有一套為DNA萃取使用的標本存放
- 利用silica gel貯存植物材料為最經濟的做法，但也需要
- 臺灣植物研究需要一個DNA bank，植物標本館應有現代化的前瞻作法

